기계학습을 이용한 유전자 기능 예측 - 연구 일지 2주차

컴퓨터공학부 소프트웨어전공

4학년 박한솔, 박창호

1. 목표

- MLP Classifier 성능 개선

2. 진행 사항

2.1.  데이터 구조 선정 및 모델 구현

Antibiotics의 chemical features와 Bacteria의 gene정보 간의 연관성을 알아보기 위해서 데이터 구조를 선정 짓고, Klebsiella 데이터로 gene정보 추가를 위한 데이터 모델 구현했습니다.

2.2. 인공지능 스터디 진행

인공지능 Clustering과 관련하여 expectation maximization 알고리즘 스터디를 진행했습니다.

3. 제약 사항

3.1. 실험 결과 간의 단위

데이터 모델 구현을 위해서 Klebsiella, Klebsiella pneumoniae subsp. Ozaenae, Klebsiella pneumoniae subsp. Pneumoniae 등 Species가 유사한 3가지 박테리아의 데이터를 분석하려 했으나 각각의 실험마다 단위가 달라 반응의 기준을 선정하는 데에 제약이 발생했습니다.